

situações, apesar de se tratar da minoria dos casos avaliados na atenção primária, são parte desse grupo de doenças, as afecções onco-hematológicas - como as leucemias e os linfomas, cujos pacientes necessitam ser avaliados e tratados o mais rapidamente possível, devido à sua gravidade. A cidade de Foz do Iguaçu conta com um pequeno grupo de profissionais para atender as demandas da população com necessidade de avaliação especializada em hematologia e em determinadas regiões o encaminhamento para essa especialidade pode ser demorado, o que faz com que médicos recém-formados, ex-alunos e alunos, necessitem desse tipo de auxílio. Através da consultoria, tem sido possível colaborar com o processo de ensino-aprendizagem dos estudantes de medicina na área de hematologia, colaborar com colegas de outras áreas e prestar assistência à comunidade. As principais solicitações atendidas pelo projeto consistem em auxílio na interpretação de hemogramas e sua correlação com o quadro clínico dos pacientes. Alguns dos mais frequentes diagnósticos foram as anemias carenciais, pancitopenias e plaquetopenias.

<https://doi.org/10.1016/j.htct.2023.09.240>

UTILIDADE DA ASSOCIAÇÃO ENTRE PAINEL MIELOIDE E ANÁLISE CITOGENÉTICA NO DIAGNÓSTICO DE LEUCEMIA MIELOIDE AGUDA DE ACORDO COM A CLASSIFICAÇÃO WHO 2022

MJL Watanabe, LGF Cortes, SEA Rosa, CN Silveira, LB Lima, PV Campregher

Hospital Israelita Albert Einstein (HIAE), São Paulo, SP, Brasil

Introdução: A Leucemia Mieloide Aguda (LMA) é uma neoplasia hematológica associada ao aumento de blastos e perda da regulação e maturação das células mieloides. Os testes citogenéticos e moleculares desempenham um papel fundamental para o diagnóstico da LMA, sendo algumas entidades específicas definidas através destes testes pela Organização Mundial da Saúde (OMS). **Objetivo:** O objetivo desse trabalho foi avaliar comparativamente os resultados dos testes genéticos moleculares e citogenéticos em pacientes com diagnóstico de LMA. **Materiais e método:** Resultados de um painel genético molecular (painel mieloide) composto por 38 genes de 94 amostras de medula óssea ou sangue periférico de pacientes com diagnóstico de LMA foram obtidos do banco de dados do setor de Genética Molecular de um Laboratório Clínico. Estes resultados foram confrontados com os resultados obtidos dos testes citogenéticos realizados em paralelo, quando disponíveis. Amostras foram consideradas positivas quando ao menos uma variante oncogênica foi detectada pelo painel mieloide ou ao menos uma alteração encontrada no cariótipo. Amostras contendo alterações definidoras de alguma entidade específica segundo a classificação de neoplasias mieloides da OMS (5ª edição) foram destacadas. **Resultados e discussão:** Das 94 amostras de LMA em que foi realizado o painel mieloide, 72 apresentaram resultados de cariótipo. Dessas 72 amostras com resultados pareados, 63

(87,5%) tiveram um resultado do painel mieloide positivo, sendo 9 negativas. Das 63 positivas, 25 delas apresentaram alterações definidoras de LMA pela OMS no cariótipo. Das 38 amostras restantes sem alterações definidoras pelo cariótipo, 31 (81,5%) apresentaram alterações definidoras de LMA pela OMS pelo painel molecular. Das 9 amostras negativas pelo painel mieloide, quase 70% delas apresentaram alterações definidoras de LMA no cariótipo. De um total de 72 amostras contendo resultados de cariótipo e painel molecular, 62 (86%) puderam ser definidas em uma entidade específica segundo a classificação da OMS (5ª edição), sendo apenas 10 (14%) definidas por critérios outros (ex.: morfológicos). **Conclusão:** Dessa forma, neste trabalho, fica evidenciada a importância da complementação dos resultados citotípicos aos genéticos moleculares a fim de caracterizar e classificar corretamente as LMAs, dando substrato a um tratamento e acompanhamento adequados da doença.

<https://doi.org/10.1016/j.htct.2023.09.241>

VALOR PROGNÓSTICO DAS RAZÕES HEMATOLÓGICAS EM PACIENTES COM CÂNCER DE MAMA SUBMETIDAS A POLIQUIMIOTERAPIA

C Coradi, ACL Federige, RF Almeida, LL Smaniotto, AGH Campos, MB Leite, VP Silva, RO Matos, ME Freitas, ACA Goulart, BY Koizumi, MPA Berny, JFG Orrutea, C Panis

Universidade Estadual do Oeste do Paraná (UNIOESTE), Cascavel, PR, Brasil

Objetivos: O presente estudo objetiva investigar o valor prognóstico das razões hematológicas entre os componentes do hemograma em pacientes com câncer de mama em poliquimioterapia e relacioná-las às características clínico-patológicas da doença. **Materiais e métodos:** Trata-se de um estudo piloto. Pacientes encaminhadas para procedimento cirúrgico no Hospital do Câncer de Francisco Beltrão (CEONC) com lesões sugestivas de carcinoma ductal infiltrante mamário (CDI) foram convidadas a participar. Após assinatura do Termo de Consentimento Livre e Esclarecido houve a caracterização histopatológica da biópsia, pacientes com presença de lesões benignas foram excluídas do estudo. Foram incluídas 70 pacientes do sexo feminino portadoras de CDI. As coletas de sangue para realização do hemograma foram feitas ao diagnóstico (D0) e no início de todos os ciclos de tratamento (D21 até D168). Para análise dos dados houve avaliação temporal de D0 a D168, comparando todos os parâmetros, através da análise de variâncias ANOVA pareada para medidas repetidas. Foi considerado significativo $p < 0,05$. Todas as análises estatísticas foram conduzidas no software Graphpad Prism versão 9.0 (Graphpad software, San Diego, CA, USA). A pesquisa foi aprovada pelo Comitê de Ética Institucional sob CAAE nº 35524814.4.0000.0107. **Resultados:** Dentre as razões analisadas, as maiores significâncias estatísticas foram observadas nas comparações das razões eritrócitos/leucócitos (ERI/LEU) e eritrócitos/linfócitos (ERI/LIN) em relação aos diferentes períodos de tempo (D0 vs. D84,